Usando o método split podemos quebrar cada linha em uma lista contendo todos os campos de interesse sobre o *quarterback. Podemos pegar os valores correspondente ao \*first name*, *last name* e examinar as avaliações para contruir uma sentença simples como mostrada em [Listing 1](https://panda.ime.usp.br/pensepy/static/pensepy/10-Arquivos/files.html#readingfile1).

ref\_arquivo = open("qbdata.txt","r")

for linha in ref\_arquivo:

valores = linha.split()

print('QB ', valores[0], valores[1], 'obteve a avaliacao ', valores[10] )

ref\_arquivo.close

QB Colt McCoy obteve a avaliacao 74.5

---------------------------------------------------------------------------------

**open**

Devemos abrir (*open*) um arquivo antes de ler o seu conteúdo: ref\_arquivo = open(nome\_arquivo,"r"). Devemos também abrir um arquivo antes de escrever nele: ref\_arquivo =open(nome\_arquivo,"w").

**close**

devemos fechar (*close*) um aqruivo depois que acabamos de manipulá-lo: ref\_arquivo.close().

**read**

Método que lê e retorna o conteúdo inteiro de um arquivo em um string. É frequentemented usado em um comando de atribuição de tal forma que a variável seja uma referência para um string com o conteúdo do arquivo: string\_arquivo =ref\_arquivo.read()

**readline**

Método que lê e retorna o conteúdo da linha corrente de um arquivo como string: linha\_str = ref\_arquivo.readline(). O caractere de nova linha e incluído no final do string.

**readlines**

Método que lê e retorna o conteúdo de um arquivo como uma lista de strings. Cada linha do arquivo é representado por um string da lista: lista\_de\_linhas = ref\_arquivo.readlines().

---------------------------------------------------------------------------------

O código que segue é o de busca, como ele funciona há um áudio mandado no grupo sistema iris, 11:50 do dia 17 de setembro de 2017

import os

from difflib import SequenceMatcher

def similar(a, b):

return SequenceMatcher(None, a, b).ratio()

files = [f for f in os.listdir("DadosMedRib")]

for filename in files:

Dados = open("DadosMedRib\\" + filename, "r", encoding="utf8")

Dados.readline()

for i in range(13):

x = Dados.readline()

Y = similar(x,"MICROSCOPIO CONFOCAL")

if(Y > 0.8):

print(x)

print(filename)

Dados.close()